

(C)

		A	AB	B	BC	C	CD	D	DE	E	EF	F	FG	G								
		(1-15)		(16-26)	(27-38)	(39-45)		(77-84)		(85-96)	(97-104)		(105-117)	(118-128)								
		1	10	15	16	23	26	27	38	39	41	45	77	84	85	89	96	97	104	105	117	118
<i>Caphir</i>	TRGC1	(E)RNLAADTSPKPTVFLPSIAEINH..DNAGTYL	CLLE	NFFP..DVIT	VS	WRVKNDKRAL..PSQQGNTMKT	TKD.....	TYMKLSWLT	VTEN...SMDKQHV	C	VVKHQKNIGGIDQ	E	IIFPSIKE									
<i>Oviari</i>	TRGC1	(E)RNLAADTSPKPTVFLPSIAEINH..DNAGTYL	CLLE	KFFP..DVIT	VS	WRVKNDKRAL..PSQQGNTMKT	TKD.....	TYMKLSWLT	VTEN...SMDKQHV	C	VVKHQKNIGGIDQ	E	IIFPSIKE									
<i>Caphir</i>	TRGC2B	(E)RNLAADTSPKPTVFLPSIAEINH..DNAGTYL	CLLE	NFFP..DVIT	VS	WRVKNDKRAL..PSQQGNTMKT	TKD.....	TYMKLSWLT	VTEN...SMDKQHV	C	VVKHQKNIGGIDQ	E	IIFPSIKE									
<i>Oviari</i>	TRGC2	(E)RNLAADTSPKPTVFLPSIAEINH..DNAGTYL	CLLE	KFFP..DVIT	VS	WRVKNDKRAL..PSQQGNTMKT	TKD.....	TYMKLSWLT	VTEN...SMDKQHV	C	VVKHQKNIGGIDQ	E	IIFPSIKE									
<i>Caphir</i>	TRGC3	(D)RDLDKDMSPKPTMFLPSITEIKR..DNNGTYL	CLLE	DFFP..HVIK	VY	WREKRGKVL..PSQEGKTIKT	DD.....	TYMKLSWLT	TVSGN...SMDKEHM	C	IVKHEKNKRGTNQ	E	ILFPAVNE									
<i>Oviari</i>	TRGC3	(D)RDLDIDMSPKPTMFLPSITEIKR..DNSGTYL	CLLE	DFFP..HVIK	VY	WREKRGKVL..PSQEGKTIKT	LD.....	TYMKFSWLT	TVSGN...SMDKEHM	C	IVKHEKNKRGTNQ	E	ILFPAVNE									
<i>Caphir</i>	TRGC4	(D)RNLATDLSPKPTIFLPSIAEINH..NKTGTYL	CLLE	KFFP..DIIK	VY	WKEKGNRNL..PSQQGNTMNT	TTD.....	TYMKLSWLT	VTEN...SMDKEHI	C	VVQHERNIRGINQ	E	ILFPSINE									
<i>Oviari</i>	TRGC4	(N)RNLATDLSPKPIIFLPSIAEINH..SKTGTYL	CLLE	KFFP..DIIK	VY	WKEKGNRNL..PSQQGNTMNT	TTD.....	TYMKLSWLT	VTEN...SMDKEHI	C	VVQHERNIRGINQ	E	ILFPSINE									
<i>Caphir</i>	TRGC5	(D)RRLDGDLPKPTIFFPSVEEVK..HSAGTHL	CLLQ	NFFP..DAIK	VQ	WKEKNGNTIL..ESHQGNIIKT	ND.....	TYMKFSWLT	TLTKK...AMEKEHV	C	IVKHENKGGRDQ	E	ILFSPVNK									
<i>Oviari</i>	TRGC5	(D)RRLDGDLPKPTIFFPSVEEVK..HSAGTHL	CLLQ	NFFP..DAIK	VQ	WKEKNGNTIL..ESHQGNIIKT	ND.....	TYMKFSWLT	TLTKK...AMGKEHV	C	IVKHENKGGRDQ	E	ILFSPVNK									
<i>Caphir</i>	TRGC6	(D)KNLPTDIIPKPTIFLPSINEVNH..QQTATYL	CLLE	NFFP..DVIK	VS	WKEKNGRVL..PSQQGNTMKT	TNN.....	TYMKFSWLT	VTED...SMKKEHM	C	IVRLEKNAGGKDQ	E	ILFPAVNE									
<i>Oviari</i>	TRGC6	(D)KNLPTDIIPKPTIFLPSINEVNH..QQTATYL	CLLE	NFFP..DVIK	VS	WKEKNGRVL..PSQQGNTMKT	TNN.....	TYMKFSWLT	VTED...SMKKEHM	C	IVRLEKNAGGKDQ	E	ILFPAVNV									

		CONNECTING-REGION			TRANSMEMBRANE-REGION			CYTOPLASMIC-REGION
		[EX2A]	[EX2B]	[EX2C]	[EX3]			
<i>Caphir</i>	TRGC1	(V)VTSAVT.....TTEPPTTEPP	NDCLTDES	(S)ALQLQLTTTSAYYTYLLLLLSAVYFVVI	ISCVFRRTGVCCDGKIS			
<i>Oviari</i>	TRGC1	(V)VTSAVT.....TTKPP	NDCLTDES	(S)ALRLQLTTTSAYNTYLLLLLSTVYFVVI	ISCVFRRTGVWSDWKIS			
<i>Caphir</i>	TRGC2B	(V)VSSAVTTEPPTTEPPTTEPP	NDCLTDES	(K)VTGTGSKKACLKDES	(E)VTGDT.NSTKARLEGEN	(S)ALQLQLTTTSAYYTYLLLLLRSVYFVVI	ISCVFRRTGVCCDGKI.	
<i>Oviari</i>	TRGC2	(V)VTSAVTTEPPTTEPPTTEPP	NDCLTDES	(K)VTGTGSKTACLKDER	(E)VTGDT.NSTKACQEGES	(S)ALQLQLMNTSAYYTYLLLLLSTVYFVVI	ISCVFRRTGICCDGKIS	
<i>Caphir</i>	TRGC3	(V)VSSVVT.....TTKPP	NDGLKDRS	(E)KQVPVANSTKACLKDEN	(N)TLQLQLMNTSAYYTYLLLLIKSTVYFAI	ITSCVFRRTGVCGNQKSS		
<i>Oviari</i>	TRGC3	(V)VSSVVA.....TTKPP	NDGLKDKS	(E)KQVPVANSTKACLKDEN	(N)TLQLQLMNTSAYYTYLLLLIKSTVYFAI	ITSCVFRRTGVCGNQKSS		
<i>Caphir</i>	TRGC4	(V)VSSIIVP.....TTEAP	SDCLNQES	(K)VTGTGSKKVLCKDES	(E)VTADN.NSTKVCLEDES	(N)TLQLQLMNTSAYYTYLLLLKSVYFII	ITSCVFRRTGICCDGKNS	
<i>Oviari</i>	TRGC4	(V)VSSIIVP.....TTEAP	SDCLNQES	(K)VTGTGSKKACLKDES	(E)VTADN.NSTKVCLEDES	(N)TLQLQLMNTSAYYTYLLLLKSVYFII	ITSCVFRRTGMCCDGKNL	
<i>Caphir</i>	TRGC5	(E)VAT.....RACMKKES		(E)VTADN.NSTKVCLEDES	(D)TLQLQFASTSAYYTYLLLLKSMIYFSII	AFCVFWRTGIFSNGKIF		
<i>Oviari</i>	TRGC5	(E)VAT.....HACMKKES		(E)VTADN.NSTKVCLEDES	(D)TLQLQFASTSAYYTYLLLLKSMIYFSII	AFCVFWRTGIFSNGKIF		
<i>Caphir</i>	TRGC6	(V)FSPVVA.....TTGPP	DDCLQDES	(E)VTADN.NSTKVCLEDES	(E)VN....NSTKACLKDKN	(N)TVLQLTYNSAYYTYLLLLKSAVYFVTT	FCCVFRRTGVCRDGKSS	
<i>Oviari</i>	TRGC6	(V)FSPVVA.....TTEPP	DDCLQDEI	(E)VTADN.NSTKVCLEDES	(E)VT....DSTKACLKDEI	(D)TVLQLAYNSAYYTYLLLLKSAIYFVT	SSCCVFRRTGVCHDGKSS	