

## Monitoring disease and antibiotic treatment in the skin microbiota of farmed seabass fingerlings

Microbial Ecology

Daniela Rosado, Marcos Pérez-Losada, Ricardo Severino, Raquel Xavier

**Online Source 1.** Relative mean proportions of sequences (%) belonging to the most abundant ( $\geq 1\%$ ) phyla and genera in the skin microbiota of the seabass *Dicentrarchus labrax* in healthy (N=30), diseased (N=30), treatment (N=30) and recovery states (N=15). Taxa with  $\geq 1\%$  relative mean proportion in any state are indicated in bold. Unknown genera are labeled as u.g.

	Healthy	Diseased	Treatment	Recovery
<b>Phyla</b>				
Actinobacteriota	<b>1</b>	0,7	0,6	0,2
Bacteroidota	<b>21</b>	<b>29</b>	<b>37</b>	<b>28</b>
Chloroflexi	0,4	0,4	<b>1</b>	<b>1</b>
Fusobacteriota	0,2	0,3	0,8	<b>1</b>
Proteobacteria	<b>74</b>	<b>63</b>	<b>52</b>	<b>63</b>
Verrucomicrobiota	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>4</b>	<b>3</b>
<b>Genera</b>				
<i>Alkalimarinus</i>	<b>1</b>	<b>1</b>	<b>1</b>	<b>1</b>
<i>Alteromonas</i>	<b>2</b>	<b>2</b>	<b>5</b>	<b>3</b>
<i>Arcticiflavibacter</i>	0,9	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>1</b>
<i>Aureispira</i>	0,3	<b>2</b>	0,2	0,4
<i>Fabibacter</i>	0,4	0,5	<b>1</b>	0,3
<i>Formosa</i>	0,2	0,9	<b>1</b>	0,6
<i>Maribacter</i>	0,3	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>1</b>
<i>Marinomonas</i>	<b>1</b>	0,9	<b>2</b>	<b>1</b>
NS10 marine group	0,8	<b>3</b>	<b>3</b>	0,5
NS3a marine group	0,5	0,2	0,8	<b>1</b>
<i>Oleispira</i>	<b>8</b>	<b>9</b>	<b>3</b>	<b>13</b>
<i>Photobacterium</i>	<b>1</b>	<b>1</b>	0,2	0,1
<i>Polaribacter</i>	<b>5</b>	<b>3</b>	<b>4</b>	<b>7</b>
<i>Pseudoalteromonas</i>	<b>17</b>	<b>12</b>	<b>12</b>	<b>19</b>
<i>Pseudomonas</i>	<b>19</b>	<b>11</b>	<b>6</b>	<b>1</b>
<i>Psychrobium</i>	<b>1</b>	<b>1</b>	0,2	0,3
<i>Psychrosphaera</i>	<b>1</b>	0,9	<b>2</b>	0,9
<i>Rubritalea</i>	0,3	0,2	0,9	<b>1</b>
<i>Ruegeria</i>	0,2	0,5	<b>1</b>	0,5
<i>Stenotrophomonas</i>	<b>5</b>	<b>3</b>	<b>2</b>	0,4
<i>Tenacibaculum</i>	<b>2</b>	<b>2</b>	<b>1</b>	0,4
<i>Thalassotalea</i>	<b>3</b>	<b>1</b>	<b>2</b>	<b>2</b>
<i>Vibrio</i>	<b>4</b>	<b>5</b>	<b>2</b>	<b>7</b>
<i>Winogradskyella</i>	0,2	0,5	0,9	0,4
Alteromonadaceae (u.g.)	0,1	0,1	<b>2</b>	0,4
Cryomorphaceae (u.g.)	<b>3</b>	<b>2</b>	<b>2</b>	<b>2</b>
Flavobacteriaceae (u.g.)	<b>3</b>	<b>5</b>	<b>6</b>	<b>4</b>
Rhodobacteraceae (u.g.)	0,5	<b>1</b>	<b>1</b>	0,7
Saprospiraceae (u.g.)	0,4	0,8	<b>1</b>	0,6
Vibrionaceae (u.g.)	0,4	0,7	0,1	<b>1</b>
Bacteroidia (u.g.)	0,3	0,5	<b>1</b>	0,7
Gammaproteobacteria (u.g.)	0,3	<b>1</b>	<b>1</b>	0,2