

(A)

S x x x G Y L

Y087_MYCPN	-----LRFTDINKIKIQIY SLLTVFIFIDVFGLVV	SVLFGYLLPLAFDSL PFS	118
STING_BOVIN	ALLGLSQALNILLGLQGLAPAEV--SAICEKRNFNVAHGLAWS	SY Y IGYLRIL L--PGLPAR	178
STING_CHICK	TLSCLCQLLV LALGLQKLSAVEV--SELTESSKKNVAHGLAWS	SY Y IGYLKVV L--PRLKEC	183
STING_HUMAN	ALLGLSQALNILLGLKGLAPAEI--SAVCEKGNFNVAHGLAWS	SY Y IGYLRIL L--PELQAR	178
STING_MOUSE	GLLVLYKSL SMLLGLQSLTPAEV--SAVCEEKKNVAHGLAWS	SY Y IGYLRIL L--PGLQAR	177
STING_NEMVE	ISALLTPLVVHLLGLRELSKVEE--SQLNEKENKNVADGLAWS	SY Y FGYLK FVL--PELEKQ	217
STING_PIG	ALLGLSQALNILLGLQHLAPAEV--SAICEKRNFNVAHGLAWS	SY Y IGYLRIL L--PGLRAR	178
STING_RAT	GILVLSKSL SMTLDLQSLAPAEV--SAVCEEKGNFNVAHGLAWS	SY Y IGYLKL IL--PGLQAR	178
STING_XENTR	TLTLLSWLFCWILGIQGPTPATI--SEITEIKQLNVAHGLAWS	SY Y VGYLQ FVL--PALKES	160

* : : . ** . * . *** : *

(B)

S x x x G

Y1339_MYCTO	SDIFDVHHWADSEPVTLGALTIVPRLVAHPTESFGLRITDPSGAS	LAYS SGDTGICDQL-V	188
Y1339_MYCTU	SDIFDVHHWADSEPVTLGALTIVPRLVAHPTESFGLRITDPSGAS	LAYS SGDTGICDQL-V	188
STING_BOVIN	-----LGLSQALNILLGLQGLAPAEVSAICEKRNFNV----	AHGLAWS SY Y IGYLRIL LP	173
STING_CHICK	-----SCLCQLLV LALGLQKLSAVEVSELTESSKKNV----	AHGLAWS SY Y IGYLKVV LP	178
STING_HUMAN	-----LGLSQALNILLGLKGLAPAEISAVCEKGNFNV----	AHGLAWS SY Y IGYLRIL LP	173
STING_MOUSE	-----LVLYKSL SMLLGLQSLTPAEVSAVCEEKKNV----	AHGLAWS SY Y IGYLRIL LP	172
STING_NEMVE	-----ALLTPLVVHLLGLRELSKVEESQLNEKENKNV----	ADGLAWS SY Y FGYLK FVLP	212
STING_PIG	-----LGLSQALNILLGLQHLAPAEVSAICEKRNFNV----	AHGLAWS SY Y IGYLRIL LP	173
STING_RAT	-----LVLSKSL SMTLDLQSLAPAEVSAVCEEKGNFNV----	AHGLAWS SY Y IGYLKL ILP	173
STING_XENTR	-----TLLSWLFCWILGIQGPTPATISEITEIKQLNV----	AHGLAWS SY Y VGYLQ FVLP	155

* . : * . : . *** : * :

(C)

S x x x G Y L

BETA_KLEP3	EGFGPMD-----RTVTPQGRRAS	TARGYLDQAR GRPNLTIRTHALTDHIIFAGKRAV	233
BETA_KLEP7	EGFGPMD-----RTVTPQGRRAS	TARGYLDQAR GRPNLTIRTHALTDHIIFAGKRAV	233
BETA_YERP3	EGFGPMD-----RTVTPKGRRAS	TARGYLDQAR PRNLTIIITHALTDRIILFEGKRAT	233
BETA_YERPA	EGFGPMD-----RTVTPKGRRAS	TARGYLDQAR PRNLTIIITHALTDRIILFEGKRAT	233
BETA_YERPB	EGFGPMD-----RTVTPKGRRAS	TARGYLDQAR PRNLTIIITHALTDRIILFEGKRAT	233
BETA_YERPE	EGFGPMD-----RTVTPKGRRAS	TARGYLDQAR PRNLTIIITHALTDRIILFEGKRAT	233
BETA_YERPNI	EGFGPMD-----RTVTPKGRRAS	TARGYLDQAR PRNLTIIITHALTDRIILFEGKRAT	233
BETA_YERPP	EGFGPMD-----RTVTPKGRRAS	TARGYLDQAR PRNLTIIITHALTDRIILFEGKRAT	233
BETA_YERPS	EGFGPMD-----RTVTPKGRRAS	TARGYLDQAR PRNLTIIITHALTDRIILFEGKRAT	233
BETA_YERPYP	EGFGPMD-----RTVTPKGRRAS	TARGYLDQAR PRNLTIIITHALTDRIILFEGKRAT	233
STING_BOVIN	-GLAPAEVSAICEKRNFNVAHGLAWS	SY Y IGYLRIL I-----	171
STING_CHICK	-KLSAVEVSELTESSKKNVAHGLAWS	SY Y IGYLKVV -----	176
STING_HUMAN	-GLAPAEISAVCEKGNFNVAHGLAWS	SY Y IGYLRIL I-----	171
STING_MOUSE	-SLTPAEVSAVCEEKKNVAHGLAWS	SY Y IGYLRIL I-----	170
STING_NEMVE	-ELSKVEESQLNEKENKNVADGLAWS	SY Y FGYLK FV-----	210
STING_PIG	-HLAPAEVSAICEKRNFNVAHGLAWS	SY Y IGYLRIL I-----	171
STING_RAT	-SLAPAEVSAVCEEKGNFNVAHGLAWS	SY Y IGYLKL I-----	171
STING_XENTR	-GPTPATISEITEIKQLNVAHGLAWS	SY Y VGYLQ FV-----	153

. . * * ***